Génotypage

Insertion/délétion · SNP · Variation du nombre de copies.

Identification et caractérisation ciblées de variants génétiques connus, dont les insertions, les délétions, les polymorphismes nucléotidiques (SNP) et les variations du nombre de copies (CNV), par PCR, qPCR et PCR digitale.

CE QUE CETTE PLATEFORME RÉALISE

SERVICE OU TECHNIQUE	CE QU'IL COUVRE	USAGE TYPIQUE
Génotypage des insertions et délétions	Détection d'insertions et de délétions connues par PCR conventionnelle, amplification allèle-spécifique et analyse de taille des fragments	Modèles knock-out, intégration de transgènes, lignées génétiquement modifiées
SNP et discrimination allélique	Identification de variants nucléotidiques connus par PCR allèle-spécifique, qPCR à sondes ou PCR digitale	Génotypes homozygotes et hétérozygotes, échantillons ou cohortes
Variation du nombre de copies (CNV)	Quantification du nombre de copies de gènes et de transgènes par qPCR ou PCR digitale	Délétions, duplications, nombre de copies de transgènes, modèles modifiés
Criblage et validation de modèles génétiques	Génotypage d'animaux transgéniques, de lignées cellulaires modifiées et de cohortes expérimentales	Cribler des modifications connues, confirmer des variants issus du séquençage

CE QU'ELLE PERMET

Détecter des insertions et délétions connues

Applications : modèles knock-out, intégration de transgènes et lignées cellulaires génétiquement modifiées.

Déterminer des génotypes

Génotypes homozygotes et hétérozygotes sur des échantillons individuels ou des cohortes expérimentales.

Quantifier le nombre de copies

Délétions et duplications géniques, nombre de copies de transgènes et modèles génétiquement modifiés.

Cribler et valider des modèles génétiques

Criblage de modifications génétiques connues et confirmation indépendante de variants sélectionnés identifiés par séquençage.

Où s'arrête cette plateforme. L'analyse et l'interprétation des résultats sont assurées par l'équipe computationnelle de GENXMAP. Demandez-les dans le même devis.

Délais. Standard (4–6 semaines) / Prioritaire (2–4 semaines) : jours ouvrés, à compter du GO après le contrôle de réception. Services de routine : 72 heures (par exemple le génotypage une fois la lignée validée). La date de votre devis est celle qui nous engage.

ÉCHANTILLONS, LIVRABLES ET COMMANDE

Échantillons. ADN extrait, ou l'échantillon lui-même si l'extraction fait partie du projet. La quantité est confirmée une fois votre cible cadrée.

Les exigences d'échantillon sont publiées dans les consignes de soumission.

genxmap.com/fr/lab/sample-submission-guidelines#qpcr

Livrables. Des tableaux de résultats par plaque et par échantillon, avec le rapport QC de la course.

Données primaires contrôlées et documentation de la plateforme. L'analyse et l'interprétation peuvent s'ajouter au même devis.

genxmap.com/fr/lab/turnaround-times

Commande. Demandez un devis en indiquant votre type d'échantillon, le nombre d'échantillons et la question que vous vous posez. Réponse sous 2 jours ouvrés.

Un doute sur la quantité ? Nous la confirmons avant tout envoi.

genxmap.com/fr/contact

DEVIS ET COMMANDE

sales@genxmap.com
+33 7 69 44 16 18

ÉCHANTILLONS, PROTOCOLES, QC

lab@genxmap.com
+33 4 13 73 24 81

LABORATOIRE

GENXMAP, IHU Méditerranée Infection
19-21 boulevard Jean Moulin
13005 Marseille, France